

データ解析を始めませんか？

# バイオインフォマティクストレーニング

生命科学研究者が実験 (wet) だけでなくデータ解析 (dry) も行えるようになれば、生物学的なデータの解釈を今より短期間で行うことが可能になります。アメリエフは、多くの研究者が「メールソフトを使う感覚」でデータ解析を行う未来を目指しています。

## 特徴

- wet が土台：生命科学系出身の講師が、dry の解析に必要なエッセンスを効率的に教えます
- 初歩から：Linux に初めて触れる方にもわかりやすく丁寧に教えます
- 訪問型：ご希望の場所・日程で受講可能です
- 豊富な実習：実際に手を動かして「体で覚えて」いただきます

## 実績

2013 年度実績：約 100 名 2014 年度実績：約 100 名

- 大学、企業、研究機関でのご訪問によるトレーニングを実施
- 学会やセミナーなどで講演
- 徳島大学医学部にて学生向け「バイオインフォマティク養成プログラム」を実施
- 「バイオインフォマティクス人材育成カリキュラム（次世代シーケンサ）速習コース」で講演

## 講師紹介



### 山口 昌雄

理化学研究所、京都大学、創薬系ベンチャーを経て、2009 年アメリエフ株式会社を設立。1976 年 東京都出身、趣味は PC 自作とプログラミング。

#### 【コメント】

バイオインフォマティクスの便利さやデータ解析のおもしろさが伝わるように心がけています。一緒に新しい分野にチャレンジしましょう！



### 服部 恵美

新潟県上越市出身。筑波大学第二学群生物学類卒業。アメリエフでは受託解析、パイプライン開発、ユーザーサポート、トレーニングを担当。趣味は落語、三味線。

#### 【コメント】

受講生の「できた!」「わかった!」という声を聴くのが一番の喜びです。



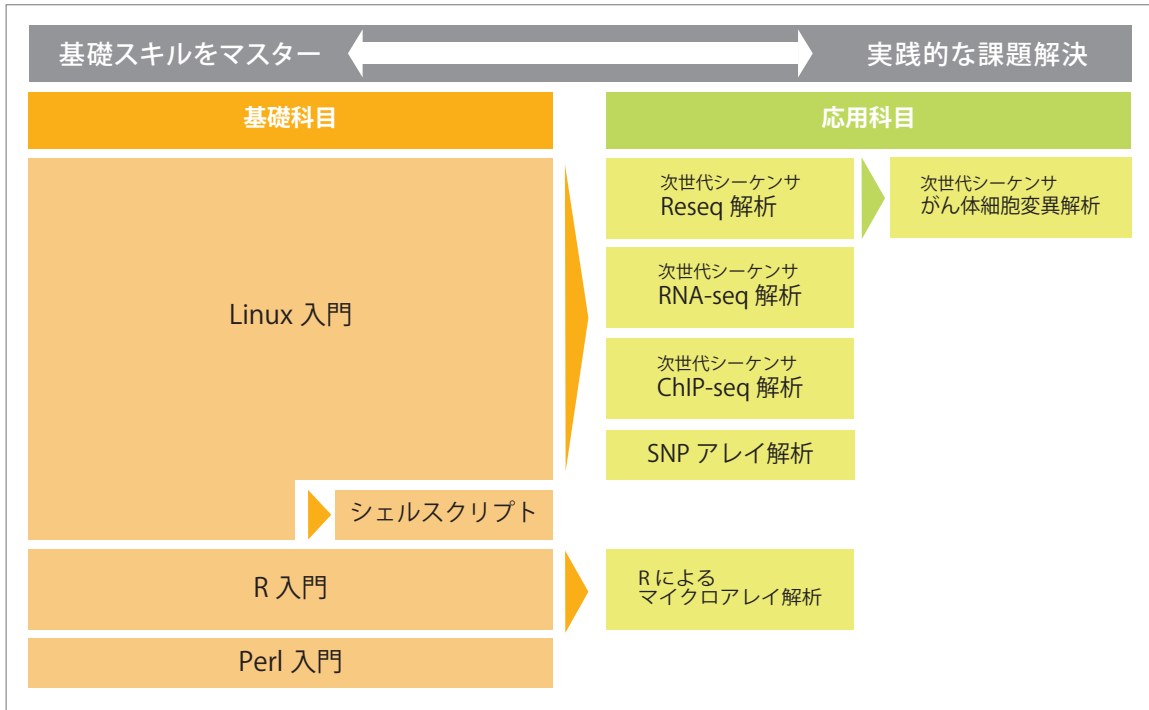
バイオインフォマティクス トレーニングの講義詳細については HP をご覧ください

<http://amelieff.jp/training>

アメリエフ

検索

## 科目一覧



※「▶」右側の科目を受講するには、左側の科目に相当する知識を習得していることを前提としています。

## 実施例

### ○国内がんセンター

ご要望	SNP 解析と遺伝統計解析について、理解を深めたい。特に、PLINK 操作を習得したい。		
内容	基礎科目「Linux 入門」、および、応用科目「SNP アレイ解析」、さらに、カスタマイズで「遺伝統計解析」を加えたトレーニングをご提供しました。		
参加者	研究室メンバーと共同研究先研究者の 15 名		
講師	1 名 (ほか、アシスタント 1 名)	期間	2 日間連続して実施

### ○大手企業研究所


ご要望	Linux を用いた NGS 解析の概要を把握し、自身のデータについて解析を行いたい。		
内容	応用科目「Reseq 解析」「RNA-seq 解析」「ChIP-seq 解析」、さらに、カスタマイズで「miRNA 解析」を加えたトレーニングをご提供しました。		
参加者	解析担当者を含む 4 名		
講師	1 名 (ほか、アシスタント 1 名)	期間	週に 1 度訪問、4 回実施

### ○国立大学 医学部 研究者

ご要望	次世代シーケンサの RNA-seq データ解析を研究室内でできるようになりたい。		
内容	基礎科目「Linux 入門」、応用科目「RNA-seq 解析」、さらに、カスタマイズで Linux サーバの環境構築のトレーニングをご提供しました。		
参加者	研究者 1 名		
講師	1 名	期間	2 日間連続して実施

2015.02

IT のチカラで研究を支援

 アメリエフ株式会社

〒101-0047

東京都千代田区内神田 1-12-12 美土代ビル 2 階

Tel (03)5577-6408 Fax (03)5577-6407

<http://amelieff.jp>