

# データ解析を始めませんか？ バイオインフォマティクス・トレーニング

生命科学研究者が、実験に加えデータ解析も行えるようになれば、あらゆる生命情報を解釈し問題解決することを、今より短期間で行うことが可能になります。  
アメリエフは、多くの研究者が「メールソフトを使う感覚」でデータ解析を行う未来を目指しています。

## トレーニングの特徴

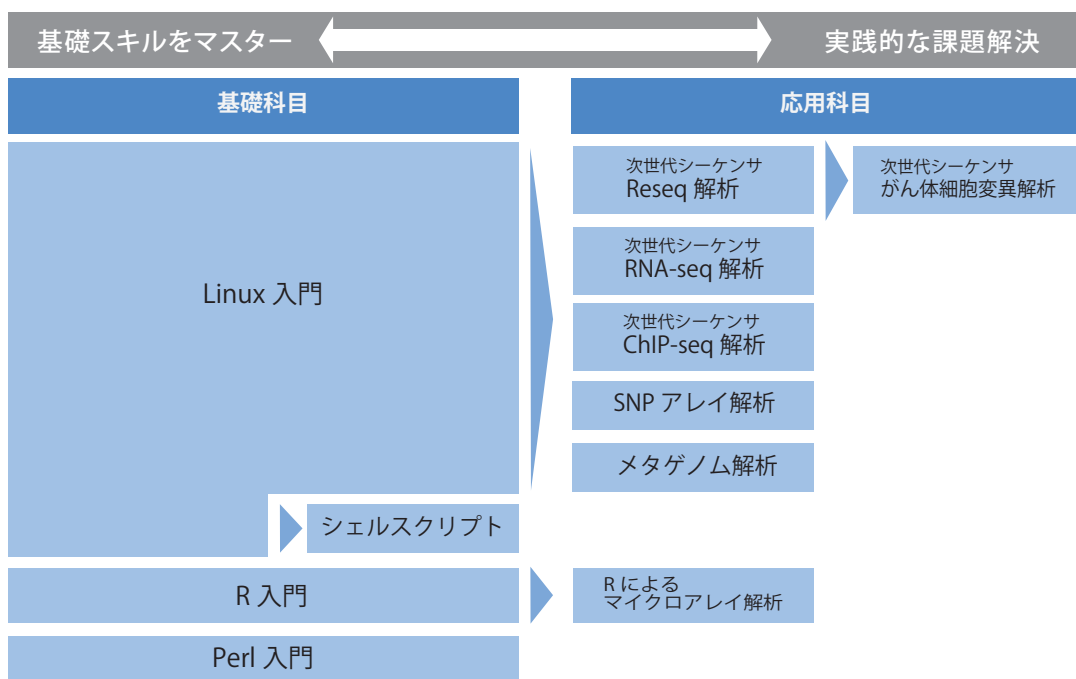
生命科学系出身の講師陣	生命科学分野の実験経験者が解析に必要なエッセンスを効率的にレクチャー
わかりやすい	Linux に初めて触れる方にもわかりやすく、初歩から丁寧に解説
豊富な実習	実際に手を動かして「体で覚える」

## 実績

2013 年から累計 400 名以上（2016 年度実績 約 120 名）

- 大学、企業、研究機関でのご訪問によるトレーニングを実施
- 学会やセミナーなどで講演
- 徳島大学医学部にて学生向け「バイオインフォマティクス養成プログラム」を実施
- 「バイオインフォマティクス人材育成カリキュラム（次世代シーケンサ）速習コース」で講演

## テーマ一覧



「▶」右側の科目を受講するには、左側の科目に相当する知識を習得していることを前提としています。

## 3つのタイプのトレーニング・研修プログラム

TYPE  
01

### オープンセミナー

1名様からでもお気軽にご参加いただける一般公開のセミナーです。  
新人研修、新しい解析技術の情報収集、業界のネットワーク作りなどにご活用ください。

TYPE  
02

### オーダーメイドセミナー

テーマ、人数、時間、場所などを、カスタマイズいたします。  
部門発足時、新規分野の研究開始時の導入教育などにご活用ください。

TYPE  
03

### オンサイトセミナー

ご要望の場所に講師を派遣して開催いたします。  
新人研修、人事異動に伴う導入教育、専門プロジェクト向けの研修などにご活用ください。

## 事例紹介

### 国内がんセンター

ご要望	SNP 解析と遺伝統計解析について、理解を深めたい。特に、PLINK 操作を習得したい。		
内容	基礎科目「Linux 入門」、および、応用科目「SNP アレイ解析」、さらに、カスタマイズで「遺伝統計解析」を加えたトレーニングをご提供しました。		
参加者	研究室メンバーと共同研究先研究者の 15 名		
講師	1名（ほか、アシスタント1名）	期間	2日間連続して実施

### 大手企業研究所

ご要望	Linux を用いた NGS 解析の概要を把握し、自身のデータについて解析を行いたい。		
内容	応用科目「Reseq 解析」「RNA-seq 解析」「ChIP-seq 解析」、さらに、カスタマイズで「miRNA 解析」を加えたトレーニングをご提供しました。		
参加者	解析担当者を含む 4 名		
講師	1名（ほか、アシスタント1名）	期間	週に 1 度訪問、4回実施

### 国立大学 医学部 研究者

ご要望	次世代シーケンサの RNA-seq データ解析を研究室内でできるようになりたい。		
内容	基礎科目「Linux 入門」、応用科目「RNA-seq 解析」、さらに、カスタマイズで Linux サーバの環境構築のトレーニングをご提供しました。		
参加者	研究者 1 名		
講師	1名	期間	2日間連続して実施

## お申し込み後の流れ

1. お申込み  
お問合せフォームよりお申込みください。
2. 事前アンケート  
受講の目的や目標、受講前のスキルを、講師と共有します。
3. 事前準備  
手順書にしたがって、仮想環境や CentOS のインストールを行います。
4. トレーニング実施  
講義と実技の形式から選べます。多人数の場合 TA を派遣します。
5. 無償アフターサービス  
すべての講義に、受講後 30 日間の無償学習サポートが付属します。

お問合せ

☎ 03-6459-4508

Fax : 03-6459-4506  
Mail : publicity@amelieff.jp

🔍 アメリカエフ

検索

<http://amelieff.jp/> ヘアクセス!